

次世代シーケンス Web面談で 研究の「？」を解決へ

相談
無料

北海道システム・サイエンスでは、NGS解析前の実験計画から、解析後のデータの見方・活用まで、研究の目的に合わせてご相談いただけます。

実験・解析のお悩み、ご相談ください



実験相談窓口

研究の疑問やお悩みを
専門スタッフが
丁寧にお伺いします



NGS解析をしたけれど
データの見方が
よく分からない



他社で解析したけれど
その後の
相談先がない



このデータをもっと研究に
活かしたい



論文や学会発表用の
図を作りたい



データベースを
変えてもう一度
解析したい

NGS解析後の“どう読む？どう活かす？”にも対応。

まずは、
研究のお悩みを
ご相談ください

電話でのお問い合わせ

0120-613-190

TEL 011-768-5901

Webフォーム

[https://hssnet.co.jp/product/
inquiry_total_support/](https://hssnet.co.jp/product/inquiry_total_support/)



北海道システム・サイエンス株式会社

実験設計からデータ活用まで幅広くサポート

研究目的や実験条件に応じたご相談に対応します。

① 実験設計



- サンプル設計
- コントロール・レプリケート
- 解析スケジュール

② データ解析



- データQC・前処理
- 比較・統計解析
- 追加解析・再解析

③ 結果の活用



- 解析結果の見方
- データ可視化
- 論文・学会資料(図、M&M)

NGS以外の解析や、
解析前のサンプル調製についても
ご相談いただけます

解析

- マイクロアレイ
- サンガーシーケンス

サンプル調製・QC

- 核酸抽出・精製
- サンプル品質検定

課題解決事例

事例1 細菌 約1,000株の特定遺伝子解析・遺伝子型判別

ご相談内容



他機関でPCR～シーケンスを実施したが、多くの検体でデータ不良となり、改善・再解析が難しいと言われた

ご提案

品質管理と解析工程管理を徹底し、ほとんどの検体で解析結果を得られる見込みがあると判断

結果



99%以上で良好なシーケンスデータ
ほとんどの検体で
遺伝子型判別に成功

事例2 植物感染ウイルスのゲノム同定

ご相談内容



ウイルスの詳細が不明で、何をどう調べるべきかわからない
ウイルス自体の単離も困難

ご提案

感染組織の全RNAをサンプルに次世代シーケンスを実施
宿主配列の除去・ウイルス由来配列の抽出・アノテーションを行う解析プランをご提案

結果



ウイルス由来配列の抽出に成功
ドラフトゲノムを構築し、病原性関連候補遺伝子を抽出

代理店



北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1

☎ 0120-613-190

TEL: 011-768-5901 FAX: 011-768-5951

E-mail: hss-ngs@hssnet.co.jp

URL: <https://www.hssnet.co.jp>